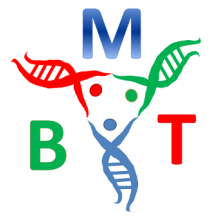




2018
November 16.
13-17 óra



Bioinformatika a Magyar Tudomány Ünnepe

Program

13.00 **Simon István**

Előszó

13.05 **Gyórfy Balázs**

Genomikus adatok alkalmazása új biomarkerek felfedezésére és igazolására

13.30 **Szalai Bence**

Gyógyszer hatásmechanizmus és toxicitás predikciója génexpressziós szignatúrák alapján

13.55 **Ari Eszter**

Vajon mennyire terjednek az antimikrobiális peptid rezisztencia gének?

14.20 **Hegedűs Tamás**

Membránfehérje szerkezeti ABC és ABC membránfehérje szerkezet

14.45 **Szünet**

15.15 **Hetényi Csaba**

A kísérletek korlátain túl: blind docking reloaded

15.40 **Fazekas Dávid**

BigData technológiák használata különböző forrású biológiai adatok tárolására és elemzésére

16.05 **Panca Rita**

A rendezetlen fehérjék evolúciója új szemszögből

16.30 **Erdős Gábor**

Kontextus függő rendezetlenség

MTA Természettudományi Kutatóközpont
földszinti nagy előadó terem
1117 Budapest, Magyar Tudósok körútja 2.

Az MTA Bioinformatikai Osztályközi Állandó Bizottsága
és a Magyar Bioinformatikai Társaság tudományos konferenciája